

Imię i Nazwisko, stopień, tytuł naukowy		dr hab. Maja Boczkowska
Dyscyplina naukowa/dyscypliny naukowe		
Rozwój zawodowy kandydata na promotora: stopnie i tytuły naukowe podawane chronologicznie		Mgr/Mgr inż. – 2004 Dr – 2009 Dr hab. – 2018 Profesor –
Najważniejsze osiągnięcia naukowo-badawcze:	publikacje/patenty max. 10 z ostatnich trzech lat ze wskazaniem pkt. wg MNiSzW oraz IF	<ul style="list-style-type: none"> - Buśko M, Góral T, Boczkowska M, Perkowski J (2019) Relationships between volatile organic compounds with emphasis on terpene compounds and genetic matrix in inoculated and non-inoculated winter wheat cultivars. <i>Chemistry and Ecology</i>, https://doi.org/10.1080/02757540.2019.1668379 (MNiSW = 40, IF = 1.214) - Podyma W, Bolc P, Nocen J, Puchta M, Włodarczyk S, Lapinski B, Boczkowska M (2019) A multilevel exploration of <i>Avena strigosa</i> diversity as a prelude to promote alternative crop. <i>BMC Plant Biology</i>, https://doi.org/10.1186/s12870-019-1819-6 (MNiSW = 140, IF = 3.670) - Paczos-Grzęda E, Sowa S, Boczkowska M, Langdon T (2019) Detached leaf assays for resistance to crown rust reveal diversity within populations of <i>Avena sterilis</i> L. <i>Plant Disease</i>, https://doi.org/10.1094/PDIS-06-18-1045-RE (MNiSW = 70, IF = 3.583) - Boczkowska M, Żebrowski J, Nowosielski J, Kordulasińska I, Nowosielska D, Podyma W, (2017) Environmentally-related genotypic, phenotypic and metabolic diversity of oat (<i>Avena sativa</i> L.) landraces based on 67 Polish accessions, <i>Genetic Resources and Crop Evolution</i>, 64: 1829–1840 (MNiSW = 70, IF = 1.423) - Podyma W, Boczkowska M, Wolko B, Dostatny DF (2017) Morphological, isoenzymatic and ISSRs based description of diversity of eight sand oat (<i>Avena strigosa</i> Schreb.) landraces. <i>Genetic Resources and Crop Evolution</i>, 64: 1661–1674 (MNiSW = 70, IF = 1.423) - Onyśk A, Boczkowska M, (2017) M13-tailed Simple Sequence Repeat (SSR) markers in studies of genetic diversity and population structure of common oat germplasm. in: Gasparis S. (ed) <i>Methods in Molecular Biology</i>, Volume 1536, Springer, 159-168 (MNiSW = 20)

	<p>projekty/granty (z ostatnich 10 lat)</p>	<ul style="list-style-type: none"> - Activated GEnebank NeTwork (AGENT), 2020-2026, European Commission, H2020, koordynator zadania - Analiza statystyczna i bioinformatyczna danych z wysokoprzepustowego sekwencjonowania uprawnych i dzikorosnących gatunków roślin, 2018-2021, Interdyscyplinarne Centrum Modelowania Matematycznego i Komputerowego, kierownik projektu - Różnorodność genetyczna populacji kozłka lekarskiego (<i>Valeriana officinalis</i> L.) na stanowiskach naturalnych w Polsce, 2018, Narodowe Centrum Nauki, kierownik projektu - Tworzenie naukowych podstaw postępu biologicznego i ochrona roślinnych zasobów genowych źródłem innowacji i wsparcia zrównoważonego rolnictwa oraz bezpieczeństwa żywnościowego kraju, 2019-2020, Ministerstwo Rolnictwa i Rozwoju Wsi, kierownik tematu
<p>Doświadczenie w pracy z doktorantami (obronione doktoraty, otwarte przewody) - chronologicznie wg lat</p>		<p>04-2019 – otwarty przewód doktorski Marta Puchta 04-2019 – otwarty przewód doktorski Joanna Dziurdziak</p>
<p><i>Zainteresowania naukowo-badawcze promotorów</i></p>		<ul style="list-style-type: none"> - zróżnicowanie genetyczne gatunków uprawnych i dzikich - ochrona zasobów genowych - molekularne aspekty starzenia się nasion - udział miRNA w starzeniu się nasion - sekwencjonowanie następnej generacji
<p>Problematyka badawcza, w ramach której realizowany byłby doktorat</p>		<p>Charakterystyka molekularna zasobów genowych roślin uprawnych</p>
<p>Podstawowe oczekiwania wobec kandydata na doktoranta</p>		<p>Wykształcenie wyższe: magister biologii, biotechnologii lub pokrewne. Znajomość podstawowych technik biologii molekularnej roślin (izolacja DNA, RNA, techniki elektroforetyczne, techniki PCR). Dobra znajomość obsługi komputera i programów komputerowych, w tym minimum podstawowa umiejętność pracy w środowisku Unix/Linux. Wiedza i doświadczenie w pracy z roślinami (pole) będą dodatkowym atutem. Silna motywacja do pracy badawczej, biegłość i precyzja w pracach laboratoryjnych. Samodzielność, sumienność, odpowiedzialność oraz doskonała organizacja pracy. Umiejętność współpracy w zespole.</p>
<p>Miejsce zatrudnienia i dane kontaktowe:</p>		<p>Krajowe Centrum Roślinnych Zasobów Genowych, Instytut Hodowli i Aklimatyzacji Roślin – PIB w Radzikowie m.boczkowska@ihar.edu.pl 22 733 46 44</p>

