

Wizytówka promotora w Szkole Doktorskiej „AgroBioTechPhD” – rok akademicki 2022-23

Imię i Nazwisko, stopień, tytuł naukowy		dr hab. Maja Boczkowska
Dyscyplina naukowa/dyscypliny naukowe		Rolnictwo i ogrodnictwo
Miejsce zatrudnienia i dane kontaktowe:	Instytut Hodowli i Aklimatyzacji Roślin – PIB w Radzikowie, Krajowe Centrum Roślinnych Zasobów Genowych, m.boczkowska@ihar.edu.pl 22 733 46 44	
Zainteresowania naukowo-badawcze	<ul style="list-style-type: none"> • Zróżnicowanie genetyczne gatunków uprawnych i dzikich • Ochrona zasobów genowych • Molekularne aspekty starzenia się nasion • Rola miRNA w starzeniu się nasion • Transkryptomika zmarzania systemów biologicznych 	
Problematyka badawcza, w ramach której realizowany byłby doktorat	Biologia molekularna, kriobiotechnologia	
Podstawowe oczekiwania wobec kandydata na doktoranta	<ul style="list-style-type: none"> • Wykształcenie wyższe: magister biologii, biotechnologii lub pokrewne. • Znajomość podstawowych technik biologii molekularnej roślin i udokumentowane doświadczenie w pracy laboratoryjnej. • Dobra znajomość obsługi komputera i programów komputerowych, w tym podstawowa wiedza z zakresu bioinformatyki. • Silna motywacja do pracy badawczej, biegłość i precyzja w pracach laboratoryjnych. • Samodzielność, sumienność, odpowiedzialność oraz doskonała organizacja pracy. • Język angielski minimum w stopniu komunikatywnym. • Umiejętność współpracy w zespole. 	

Osiągnięcia naukowe promotora:

Rozwój zawodowy kandydata na promotora: stopnie i tytuły naukowe podawane chronologicznie	Mgr/Mgr inż. – 2004 Dr – 2009 Dr hab. – 2018
---	--

Najważniejsze osiągnięcia naukowo-badawcze:	publikacje/ patenty max. 10 z ostatnich trzech lat ze wskazaniem pkt. wg MiEN oraz IF	<ol style="list-style-type: none"> 1. Dziurdziak, J., Podyma, W., Bujak, H., & Boczkowska, M. (2022). Tracking Changes in the Spring Barley Gene Pool in Poland during 120 Years of Breeding. <i>International Journal of Molecular Sciences</i>, 23(9), 4553. https://doi.org/10.3390/ijms23094553 (MEiN: 140; IF: 5.923) 2. Rucińska, A., Świerszcz, S., Nobis, M., Zubek, S., Boczkowska, M., Olszak, M., Kosiński, J.G., Nowak, S., & Nowak, A. (2022). Is it possible to understand a book missing a quarter of the letters? Unveiling the belowground species richness of grasslands. <i>Agriculture, Ecosystems & Environment</i>, 324, 107683. https://doi.org/10.1016/j.agee.2021.107683 (MEiN: 200; IF: 5.567) 3. Dziurdziak, J., Gryziak, G., Groszyk, J., Podyma, W., & Boczkowska, M. (2021). DARtseq Genotypic and Phenotypic Diversity of Barley Landraces Originating from Different Countries. <i>Agronomy</i>, 11(11), 2330. https://doi.org/10.3390/agronomy11112330 (MEiN: 100; IF: 3.417) 4. Rucińska, A., Olszak, M., Świerszcz, S., Nobis, M., Zubek, S., Kusza, G., Boczkowska, M., & Nowak, A. (2021). Looking for hidden enemies of metabarcoding: species composition, habitat and management can strongly influence DNA extraction while examining grassland communities. <i>Biomolecules</i>, 11(2), 318. https://doi.org/10.3390/biom11020318 (MEiN: 100; IF: 4.879) 5. Puchta, M., Groszyk, J., Małecka, M., Koter, M. D., Niedzielski, M., Rakoczy-Trojanowska, M., & Boczkowska, M. (2021). Barley Seeds miRNome Stability during Long-Term Storage and Aging. <i>International Journal of Molecular Sciences</i>, 22(9), 4315. https://doi.org/10.3390/ijms22094315 (MEiN: 140; IF: 5.923) 6. Paczos-Grzęda, E., Boczkowska, M., Sowa, S., Koroluk, A., & Toporowska, J. (2021). Hidden Diversity of Crown Rust Resistance within Genebank Resources of <i>Avena sterilis</i> L. <i>Agronomy</i>, 11(2), 315. https://doi.org/10.3390/agronomy11020315 (MEiN: 100; IF: 3.417) 7. Bolc, P., Łapiński, B., Podyma, W., & Boczkowska, M. (2020). Genetic Diversity and Population Structure of Algerian Endemic Plant Species <i>Avena macrostachya</i> Bal. ex Cross. et Durieu. <i>Agronomy</i>, 10(12), 1984. https://doi.org/10.3390/agronomy10121984 (MEiN: 100; IF: 3.417)
---	---	--

		<p>8. Dziurdziak, J., Bolc, P., Włodarczyk, S., Puchta, M., Gryziak, G., Podyma, W., & Boczkowska, M. (2020). Multifaceted Analysis of Barley Landraces Collected during Gene Bank Expeditions in Poland at the End of the 20th Century. <i>Agronomy</i>, 10(12), 1958. https://doi.org/10.3390/agronomy10121958 (MEiN: 100; IF: 3.417)</p> <p>9. Puchta, M., Boczkowska, M., & Groszyk, J. (2020). Low RIN Value for RNA-Seq Library Construction from Long-Term Stored Seeds: A Case Study of Barley Seeds. <i>Genes</i>, 11(10), 1190. https://doi.org/10.3390/genes11101190 (MEiN: 100; IF: 4.096)</p> <p>10. Targonska-Karasek, M., Boczkowska, M., Podyma, W., Pasnik, M., Niedzielski, M., Rucinska, A., Nowak-Zyczynska, Z., & Rakoczy-Trojanowska, M. (2020). Investigation of obsolete diversity of rye (<i>Secale cereale</i> L.) using multiplexed SSR fingerprinting and evaluation of agronomic traits. <i>Journal of Applied Genetics</i>, 61(4), 513-529. https://doi.org/10.1007/s13353-020-00579-z (MEiN: 140; IF: 3.240)</p> <p>11. Boczkowska, M., Bączek, K., Kosakowska, O., Rucińska, A., Podyma, W., & Węglarz, Z. (2020). Genome-wide diversity analysis of <i>Valeriana officinalis</i> L. using DArT-seq derived SNP markers. <i>Agronomy</i>, 10(9), 1346. https://doi.org/10.3390/agronomy10091346 (MEiN: 100; IF: 3.417)</p>
	projekty/granty (z ostatnich 10 lat)	<ol style="list-style-type: none"> 1. Transkryptomika zamarzania systemów biologicznych na podstawie zróżnicowanej tolerancji pąków jabłoni na przechowywanie w warunkach kriogenicznych, 2022-2026, Narodowe Centrum Nauki, kierownik projektu 2. Activated GEnebank NeTwork (AGENT), 2020-2025, European Commission, H2020, koordynator projektu w IHAR-PIB 3. Analiza statystyczna i bioinformatyczna danych z wysokoprzepustowego sekwencjonowania uprawnych i dzikorosnących gatunków roślin, 2018-2021, Interdyscyplinarne Centrum Modelowania Matematycznego i Komputerowego, kierownik projektu 4. Różnorodność genetyczna populacji kozłka lekarskiego (<i>Valeriana officinalis</i> L.) na stanowiskach naturalnych w Polsce, 2018, Narodowe Centrum Nauki, kierownik projektu

Doświadczenie w pracy z doktorantami (obronione doktoraty, otwarte przewody) - chronologicznie wg lat	<p>Zakończone przewody doktorskie:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Marta Puchta-Jasińska – „Transkryptomiczna charakterystyka procesu starzenia się nasion <i>Hordeum vulgare</i> L.”. Krajowe Centrum Roślinnych Zasobów Genowych, Radzików, 2022 <p>Wszczęte przewody doktorskie:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Joanna Dziurdziak – „Charakterystyka zmienności genetycznej wybranych obiektów <i>Hordeum vulgare</i> L.”. Przewód wszczęty 10 kwietnia 2019 na RN IHAR-PIB
---	---